

# 2012 KOGO Winter Symposium

## The Omics Revolution and Beyond

일시 · 2012년 2월 8일(수) ~ 2월 10일(금) 장소 · 강원도 용평리조트 그린피아콘도  
사전등록 · ~ 2012년 1월 27일(금) 현장등록 · 2012년 2월 8일(수) ~ 2월 10일(금)

### 일정표 1

FEB. 8 (WED)	GRAND BALL ROOM	<b>Main S1</b>	<b>Genomic Landscape of Cancer</b>	Chair: 김태유 (서울대학교) 김열홍 (고려대학교의과대학) 김주한 (서울대학교의과대학) 이상혁 (한국생명공학연구원) 김성진 (차의과대학)
		14:00-14:25	Clinical Implication of Cancer Genome Study	
		14:25-14:50	Bioinformatics for Integrating Multi-Omic Data for Cancer Research	
		14:50-15:15	A NGS-based Multi-OMICs Study of Lung Adenocarcinoma	
		15:15-15:40	Genome-Wide Analysis of Microsatellite Instability Target Genes in Human Gastric Cancer	
		15:40-15:45	Coffee Break	
		15:45-15:50	Opening Ceremony	
		<b>Main S2</b>	<b>Current Trends in Omics Technology</b>	Chair: 정헌택 (울산대학교) 양갑석 (MacroGen)
		15:50-16:15	Clinical Sequencing and Translational Genomics	
		16:15-16:40	Automated Illumina Library Prep & Sequence Capture Target Enrichment for Next Generation Sequencing	윤영국 (Caliper-a PerkinElmer Company/Bioneer)
	16:40-17:05	PGP and Pan Asia Population Genomics Initiative	박중화 (Theragen)	
	17:05-17:30	Genomic Research Tools for Genetic Improvement of Euphorbiaceae Plants	Tangphatsornruang, Sithichoke (Biotech/Roche-Diagnostics)	
	17:30-17:55	Synergies between NGS and Microarrays	Damir Herman (Affymetrix Global Applications, Seoulin)	
	17:55~	기념 촬영 및 저녁식사		
	GOLD	<b>Satellite S1</b>	<b>Exome Sequencing in Rare Disease</b>	Chair: 이진성 (연세대학교) 최병윤 (분당서울대학교병원)
		15:50-16:15	Whole Exome Sequencing of Four Members in a Family Segregating a High Frequency Hearing Loss in an Autosomal Dominant Manner Identifies a New Genotype-Phenotype Correlation in a Known Deafness Gene.	
		16:15-16:40	Mutation Analysis of ADPKD(Autosomal Dominant Polycystic Kidney Disease) Using Next Generation Sequencing	황영환 (을지병원)
		16:40-17:05	Exome Sequencing in KNIH	김영진 (국립보건원)
		17:05-17:30	Gene Discovery for Skeletal Dysplasia Using Genome-Wide Analysis	조태준 (서울대학교)
		17:30-17:55	NGS to the Clinic	이환석 (마크로젠)
		<b>Satellite S2-A</b>	<b>A3 Foresight Program: Cancer Epigenomics</b>	Chairs: Jindge Zhu(Shanghi Jiaotong Univ.), 김영준(연세대학교)
		19:30-19:40	Welcome address (Organizer/NRF)	
		19:40-20:00	Dynamic long-range Chromatin Interactions Control the Expression of Th17 cytokine IL-21	Hyoung-Pyo Kim
		20:00-20:20	Upregulation of Non-Coding RNAs Encoded in the HOX Cluster is associated with the Malignancy of Gastrointestinal Stromal Tumors	Hiromu Suzuki
		20:20-20:40	Dysregulation Mechanism and Function of MicroRNA in Breast Tumor-Initiating Cells	Erwei Song
		20:40-20:50	Role of MicroRNA34a in Drug Resistant Breast Cancer Cells	Eunyoung Park
		20:50-21:00	Association of Genomic Alterations with Metastatic Behavior of Colorectal Cancer Identified by Array-Based Comparative Genomic Hybridization	Takeshi Sawada
	RAINBOW ROOM	<b>[생물정보분석교육 Workshop]</b>	<b>NGS data를 이용한 지놈 정보 분석(1)</b>	
		16:00-17:00	NGS data 활용 강의	최익영(서울대학교 NICEM)
		17:00-18:00	NGS 분석을 위한 노트북 Linux System Setting	이정수(서울대학교 NICEM)
FEB. 9 (THE)	GRAND BALL ROOM	<b>Main S3</b>	<b>Bioinformatics &amp; Systems Biology</b>	Chair: 오범석 (경희대학교) 박태성 (서울대학교) 최선심 (강원대학교) 이채영 (숭실대학교) 김지혜 (Univ. of Colorado Denver)
		13:00-13:25	Integrative Analysis of Gene Expression Levels and Breadths	
		13:25-13:50	Comprehensive Bioinformatics Analysis of Mammalian Genomes and Expressions	
		13:50-14:15	Genomic Enrichment Analysis with Distal Cis-Regulatory Elements for Vascular Dementia	
		14:15-14:40	Identifying Druggable Partners of Synthetic Lethal Genes in Cancer	
		<b>[Plenary Lecture]</b>	Genome-Wide Map of Common and Rare Variants in Asian Population Using Massively Parallel DNA and RNA Sequencing	서정선 (서울의대 유전체학연구소)
		14:40-15:20	- Preliminary Results from 1000 Asian Genome Project	김상수 (숭실대학교)
		15:20-15:30	Genomics & Informatics 학술지 홍보 Talk	
		15:30-15:40	Coffee Break	
		<b>Main S4</b>	<b>Recent Technologies in Translational Omics</b>	Chair: 한복기(국립보건연구원)
	15:40-16:05	The 3rd Generation DNA Sequencing Technology	Ram Laxman (MDXK/PACIFIC BIOSCIENCES)	
		- the PacBio RS and Single Molecule Real Time (SMRT) Technology	김경아 (Bio-Medical Science)	
	16:05-16:30	New Era of Individual Genome Sequencing	강종호 (Applied Biosystems/Life Technologies)	
	16:30-16:55	Semiconductor Sequencing for Life: Ion Torrent	강병철 (Insilicogen)	
	16:55-17:20	Transparent and Cooperative High-Performance Bioinformatics Environment for NGS Analysis	김수진 (DNA Link)	
	17:20-17:45	Application of Single Molecule Real Time (SMRT) technology		
	17:45~	부스 참가 이벤트 추천		

# 2012 KOGO Winter Symposium

## The Omics Revolution and Beyond

일시 · 2012년 2월 8일(수) ~ 2월 10일(금) 장소 · 강원도 용평리조트 그린피아콘도  
사전등록 · ~ 2012년 1월 27일(금) 현장등록 · 2012년 2월 8일(수) ~ 2월 10일(금)

### 일정표 2

FEB. 9 (THE)	GOLD	Satellite S2-B	<b>A3 Foresight Program: Cancer Epigenomics</b> 09:30-09:50 DNA Methylation based Cancer Diagnostics: the Current Status of Our Efforts 09:50-10:10 Altered Antisense-to-sense Transcript Ratios in Breast Cancer 10:10-10:30 Structural basis of HCF-1 Self-Association and its Role in a Transcription Regulatory Complex Formation 10:30-10:40 Identification of Novel Gastric Cancer Associated Gene and Analysis of its Epigenetic Regulatory Mechanism	Chairs: Hiromu Suzuki (Sapporo Medical Univ.), 박종훈(숙명여자대학교) Jindge Zhu (Shanghai Jiaotong Univ.) Reo Maruyama (Sapporo Medical Univ.) 송지준 (카이스트) 이지은 (국립암센터)			
		10:40-11:10	<b>Coffee Break &amp; Group Photo</b>				
		Satellite S2-C	<b>A3 Foresight Program: Cancer Epigenomics</b> 11:10-11:30 Genomic Heterogeneity of Liver Cancers 11:30-11:50 Spontaneous DNA Double Strand Break Hotspots in Gastric Cancer Cells 11:50-12:00 A Novel Concept for the Genomic Sensitivity to Global LINE-1 Hypomethylation as a Potential Determinant of Genomic Deletions and Poor Prognosis in Multiple Myeloma 12:00-12:10 DNA Methylation Pattern of the Human LY6K Gene Promoter Region in Breast Cancer Cells 12:10-12:20 Closing Remark	Chairs: Erwei Song(Sun Yat-sen Univ.), 이연수(국립암센터) 우현구 (아주대학교 의과대학) 노태영 (포항공과대학교) YuKa Aoki (Sapporo Medical Univ.) 공현경 (숙명여자대학교) 박종훈 (숙명여자대학교)			
		12:20-13:00	<b>Lunch</b>				
		Satellite S3	<b>Plant de novo Sequencing</b> 13:00-13:25 De novo Sequencing of the Radish (Raphanus sativus L.) Genome 13:25-13:50 A Multithreaded Assembler to Parallelize De Novo DNA Sequencing 13:50-14:15 Whole Genome Sequences of the Mysterious Plant, Korean Ginseng (Panax Ginseng C. A. Meyer) 14:15-14:40 The Genome Sequence of Mungbean (Vigna Radiata)	Chair: 남백희(명지대학교) 오미진 (농촌진흥청) 안정호 (서울대/융합과학기술대학원) 양태진 (서울대학교) 이석하 (서울대학교)			
	RAINBOW ROOM	[생물정보분석교육 Workshop] NGS data를 이용한 지놈 정보 분석(2)	09:00-12:00 NGS resequenc data를 이용한 DNA 변이 (SNP) 분석 12:00-13:00 Lunch 13:00-14:40 NGS RNAseq Data를 이용한 Transcriptome (Expression Profiling and Quantification) 분석 (1) 14:40-15:20 [Plenary Lecture: Grand Ballroom] 15:20-16:40 NGS RNAseq Data를 이용한 Transcriptome (Expression Profiling and Quantification) 분석 (2) 16:40-17:45 NGS Data 를 이용한 Metagenome 분석 1st step	최범순 (서울대학교 NICEM) 이정수 (서울대학교 NICEM) 이정수 (서울대학교 NICEM) 김동인/임종성 (서울대학교 NICEM)			
		GRAND BALL ROOM	Main S5	<b>Uprising Fields in Genomic Research</b> 10:00-10:25 Genome Engineering and Genome Analysis by Capture 10:25-10:50 Rare Allelic Variations in Cytochrome P450 Pharmacogenetics 10:50-11:15 Targeted NGS approaches for Biomarker Discovery in Azathioprine Induced Adverse Drug Reactions 11:15-11:40 Nutrigenomics: The Changing Science	Chair: 이민구 (연세대학교) 방두희 (연세대학교) 이상섭 (인제대학교) 이지현 (연세대학교) 김유리 (이화여자대학교)		
			GOLD	Satellite S5	<b>Microbial Genomics and Interkingdom Interactomics</b> 10:00-10:25 A Predictive Systems Model for Global Gene Regulation of Methanogenesis in a Hydrogenotrophic Methanogen 10:25-10:50 Next Generation Sequencing (NGS) and Molecular Epidemiology: An example of Vibrio Cholerae 10:50-11:15 Soil and Plant Rhizosphere Metagenomics for Bioresources and Plant Function 11:15-11:40 A heuristic Approach to Identify Clusters of Metagenomic Sequences	Chair: 김지현(생공연) 윤성호 (한국생명공학연구원) 김동욱 (한양대학교) 이선우 (동아대학교) 김경모 (한국생명공학연구원)	
				RAINBOW ROOM	[생물정보분석교육 Workshop] NGS data를 이용한 지놈 정보 분석(3)	09:00-11:00 NGS data를 이용한 지놈 정보 분석(3) NGS Data 를 이용한 Metagenome 분석 2nd Step	김동인/임종성 (서울대학교 NICEM)

※ 위 일정은 사정에 따라 변경될 수 있습니다.

# 2012 KOGO Winter Symposium

## The Omics Revolution and Beyond

일시 • 2012년 2월 8일(수) ~ 2월 10일(금)    장소 • 강원도 용평리조트 그린피아콘도  
 사전등록 • ~ 2012년 1월 27일(금)    현장등록 • 2012년 2월 8일(수) ~ 2월 10일(금)

	Grand Ball Room	Gold Room	Rainbow Room
Feb. 8 (WED)	14:00~15:40 <b>Main Session 1 : Genomic Landscape of Cancer</b> 김태유 (서울대학교)		
	15:40~15:45 Coffee Break		
	15:45~15:50	Opening Ceremony	
	15:50~17:55 <b>Main Session 2 : Current Trends in Omics Technology</b> 이연수 (국립암센터) / 정헌택 (울산대학교)	15:50~17:30 <b>Satellite Session 1 : Exome Sequencing in Rare Disease</b> 이환석 (마크로젠) / 이진성 (연세대학교)	16:00~18:00 서울대학교 NICEM 공동주최 [생물정보분석교육 Workshop] NGS data를 이용한 지능 정보 분석 최익영 (서울대NICEM)
	17:55~	기념 촬영	[생물정보분석교육 Workshop-1] ◆NGS data 활용 강의    최익영 ◆NGS 분석을 위한 노트북 Linux system setting    이정수
Feb. 9 (THU)		9:30~10:40 <b>Satellite Session 2-B : A3 Foresight Program: Cancer Epigenomics</b> Hiromu Suzuki / 박종훈	09:00~12:00 [생물정보분석교육 Workshop-2] ◆NGS resequence data를 이용한 DNA 변이 (SNP) 분석    최범순
		10:40~11:10 Coffee Break & Group Photo	
		11:10~12:20 <b>Satellite Session 2-C: A3 Foresight Program: Cancer Epigenomics</b> Erwei Song / 이연수	
		12:20~ Lunch	12:00~13:00 Lunch
	13:00~14:40 <b>Main Session 3 : Bioinformatics &amp; Systems Biology</b> 김상수 (송실대학교) / 오범석 (경희대학교)	13:00~14:40 <b>Satellite Session 3 : Plant de novo Sequencing</b> 최익영 (서울대학교) / 남백희 (명지대학교)	13:00~14:40 [생물정보분석교육 Workshop-2] ◆NGS RNAseq data를 이용한 transcriptome (expression profiling and quantification) 분석 (1)    이정수
	14:40~15:20 <b>[Plenary Lecture]</b>		서정선 (서울의대 유전체의학연구소) 임용표 회장 (충남대)
	15:20~15:30 <b>Genomics &amp; Informatics</b> 학술지 홍보 Talk    편집위원장 김상수 (송실대학교)		15:20~16:40 ◆NGS RNAseq data를 이용한 transcriptome (expression profiling and quantification) 분석 (2)    이정수
	15:30~15:40 Coffee Break		
	15:40~17:45 <b>Main Session 4 : Recent Technologies in Translational Omics</b> 전주홍 (서울대학교) / 한복기 (국립보건연구원)	15:40~17:45 <b>Satellite Session 4 : Animal Genomics</b> 이준현 (충남대학교)	16:40~17:45 ◆NGS data를 이용한 metagenome 분석 1st step    김동인/임종성
	17:45~	부스 참가 이벤트 추천	
Feb. 10 (FRI)	10:00 ~ 11:40 <b>Main Session 5 : Uprising Fields in Genomic Research</b> 이민구 (연세대학교)	10:00~11:40 <b>Satellite Session 5 : Microbial Genomics and Interkingdom Interactomics</b> 김지현 (한국생명공학연구원)	9:00~11:00 ◆NGS data를 이용한 metagenome 분석 2nd step    김동인/임종성
	11:40~	Closing Ceremony	

※ 위 프로그램은 사정에 따라 변경될 수 있습니다.